



Colóquios do DFM

“Prof^a Dr^a Ignez Caracelli ”

Depto de Física
Faculdade de Ciências - UNESP
Bauru, Brasil

“Qual o melhor programa de docking?”

Através de simulação computacional utilizando-se cálculos de docking pode-se construir complexos entre proteínas e ligantes. Uma das aplicações está voltada para o estudo de inibidores de enzimas relacionadas com enfermidades, como a Doença de Chagas. Durante o seminário será mostrada a importância do conhecimento das proteínas e dos ligantes e de sua estrutura tridimensional para este tipo de estudos.

Dia: 28.04.2006 - às 14 horas
Sala Prof André Ricciardi Cruz (sala verde)